

DEMANDE D'ANALYSE DE BIOLOGIE MOLECULAIRE ET IMMUNOHISTOCHEMIE

DATE DE LA DEMANDE D'ANALYSE :/...../.....

IDENTIFICATION PATIENT (étiquette, ou remplir tous les champs)

Nom : Adresse :
Prénom :
Date de naissance :/...../..... NISS :
Sexe : Féminin Masculin Code Mutuelle :

MEDECIN PRESCRIPTEUR

Médecin pathologiste :
(cachet + signature)

Médecin prescripteur :
(cachet + signature)

INFORMATIONS SUR L'ECHANTILLON

N° identification A-P : Diagnostic A-P :
Date du prélèvement :/...../..... Heure du prélèvement :
Date de fixation :/...../..... Heure de fixation :
Temps de fixation : inconnu < 6 heures 6 – 48 heures > 48 heures
Fixateur : Formol 4% pH neutre autre fixateur :
Nombre de blocs de paraffine envoyés :
Nombre de lames blanches envoyées : date de coupe :/..../.....

* Les analyses sont réalisées sous couvert de l'accréditation n°387-MED.



Abréviations :

NGS : next generation sequencing - IHC : immunohistochimie - PCR : polymerase chain reaction - FISH : fluorescence *in situ* hybridization
CISH : chromogenic *in situ* hybridization

ANALYSES

CANCERS PULMONAIRES :

- NGS Panel ADN (25 gènes[^] dont EGFR et exon 14 MET)*
 - MET exon 14 skipping (RT-PCR)*
- ALK expression (IHC)*, suivi par FISH si positif
- ALK réarrangement (FISH)*
 - ALK IHC : Négative Positive
- ROS1 expression (IHC)*, suivi par FISH si positif
- ROS1 réarrangement (FISH)*
- PD-L1 expression (IHC)*
- PanTrk expression (IHC), suivi par Fusion Panel si positif
- NGS Fusion Panel (ALK, ROS1, RET, MET exon 14 skipping, NTRK1, NTRK2, NTRK3,...)
- MET amplification (FISH)
- RET réarrangement (FISH)

CANCERS GYNECOLOGIQUES (Ovaire, sein, endomètre, ...) :

- RO expression (IHC)*
- RP expression (IHC)*
- HER2 expression (IHC)*
 - Confirmation par FISH si 2+ ou 3+
- HER2 amplification (FISH)*
 - HER2 IHC : 0 1+ 2+ 3+
- NGS Panel ADN (17 gènes[‡] dont ESR1, PIK3CA, DICER1, POLE, TP53)*

MELANOMES :

- NGS Panel ADN (25 gènes[^] dont BRAF, NRAS, et KIT)*
- BRAF mutations (PCR)*
- NRAS et BRAF mutations (PCR)*

CANCERS GASTRIQUES :

- HER2 expression (IHC)*
- HER2 amplification (FISH)*
 - HER2 IHC : 0 1+ 2+ 3+

CANCERS COLORECTAUX :

- NGS Panel ADN (22 gènes[§] dont KRAS, NRAS et BRAF)*
- Expression MLH1, PMS2, MSH2, MSH6 (IHC)
- PCR MSI (Instabilité microsatellitaire)*
- MLH1 méthylation (si MSI positif)*

TUMEURS CEREBRALES :

- NGS Panel ADN (14 gènes^x dont IDH, BRAF, EGFR, TERT + co-deletion 1p19q)*
- NGS Fusion Panel (BRAF-KIAA1549)
- MGMT méthylation (PCR)*
- 1p19q co-délétion (FISH)*
- EGFR amplification (CISH)*
- CDKN2A (p16) délétion (FISH)

LESIONS THYROIDIENNES :

- NGS Panel ADN (27 gènes^o dont BRAF et gènes RAS)*
- NGS Fusion Panel (BRAF, RET, PPARG, NTRK1, NTRK3, ALK, THADA)*
- BRAF mutations (PCR)*

GIST :

- NGS Panel ADN (25 gènes[^] dont KIT et PDGFRA)*
- c-KIT expression (CD117, IHC)*

AUTRES :

- NGS Fusion Panel (ALK, ROS1, RET, NTRK1, NTRK2, NTRK3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, BRAF, MET exon 14 skipping, EGFR VIII,...)
- NGS Panel ADN 50 gènes[†]*
PCR Idylla : BRAF mutations* KRAS mutations*
 NRAS/BRAF mutations* EGFR mutations*
- EBV (CISH)*
- MDM2 amplification (CISH)*
- CDKN2A (p16) délétion (FISH)
- PanTrk expression (IHC), suivi par Fusion Panel si positif

- Extraction ADN* (Motif :)

§ Panel 22 gènes : AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB4, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, KRAS, MAP2K1, MET, NOTCH1, NRAS, PIK3CA, PTEN, SMAD4, STK11, TP53

^ Panel 25 gènes : les 22 gènes ci-dessus + HRAS, KIT, PDGFRA

† Panel 50 gènes : ABL1, AKT1, ALK, APC, ATM, BRAF, CDH1, CDKN2A, CSF1R, CTNNB1, EGFR, ERBB2, ERBB4, EZH2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FLT3, GNA11, GNAQ, GNAS, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KRAS, MET, MLH1, MPL, NOTCH1, NPM1, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, PTEN, PTPN11, RB1, RET, SMAD4, SMARCB1, SMO, SRC, STK11, TP53, VHL

‡ Panel 17 gènes : AKT1, BRAF, CDKN2A, CTNNB1, DICER1, ERBB2, ESR1, FBXW7, FGFR2, FOXL2, KRAS, PIK3CA, PIK3R1, POLE, PTEN, RB1, TP53

* Panel 14 gènes : ACVR1, ATRX, BRAF, CDKN2A, EGFR, H3F3A, HIST1H3B, HIST1H3C, IDH1, IDH2, PDGFRA, PTEN, TERT, TP53

o Panel 27 gènes : AKT1, APC, AXIN1, BRAF, CDH1, CDKN2A, CHEK2, CTNNB1, EGFR, EIF1AX, FLT3, GNAS, HRAS, IDH1, KRAS, NRAS, PIK3CA, PPM1D, PRKAR1A, PTEN, RASAL1, RET, SMAD4, TERT, TP53, TSHR, VHL

Le listing complet des réarrangements des panels fusion et le détail des régions couvertes par les panels ADN se trouvent dans le manuel des échantillons primaires (<http://www.erasme.ulb.ac.be>)